

探究 RNA 定序數據分析——Ingenuity Pathway Analysis (IPA) 的強大應用

講師：熊嘉妮 專案副理

➤ 課程亮點：為何您不能錯過？

RNA 定序技術正迅速成為揭示生物學機制的關鍵工具，而如何從龐大的數據中提取生物學意義則是一大挑戰。本課程將深入探討 Ingenuity Pathway Analysis (IPA) 如何幫助您解讀 RNA 定序數據、識別關鍵基因網路，並揭示複雜的生物路徑，為您的研究提供強大支持！

我們將從 RNA-seq 的核心概念出發，結合實際案例，帶您掌握 IPA 的數據上傳、核心分析、結果解釋及資料庫比對技巧。參與者將學習如何將研究數據轉化為可操作的生物學洞察，提升科研效率，發掘突破性發現。

📅 課程大綱

13:40-14:00	報到
14:00-14:10	國家高速網路與計算中心簡介
14:10-14:30	QIAGEN IPA 介紹與最新更新
14:30-14:40	RNA 定序簡介
14:40-15:00	Case study: 從實驗設計到上傳
15:00-15:10	休息時間
15:10-15:40	IPA 核心分析: 解讀基因網絡與生物通路
15:40-16:00	IPA 結果解析與資料庫比對，提升研究精準度

